

a PDB adatbankban található DNS-fehérje-komplexek elemzésével hidrogénhid-predikcióra és azok megjelenítésére, a 3D-s térszerkezet és az azt kialakító fizikai-kémiai tulajdonságok megjelenítésére, valamint a felhasználó által feltöltött DNS-szekvenciák és Position-Specific Scoring Matrixok funkciós, csoportszintű elemzését segítő ábrák készítésére.

Bukva Mátyás (SZTE Eötvös Loránd Kollégium)

### **A homoszexualitás tudománya**

A magyar ismeretterjesztő folyóiratokban és internetes portálokon régóta nem jelent meg olyan cikk, mely átfogóan és elfogulatlanul tárgyalná a homoszexualitásra irányuló kutatások legfontosabb és legújabb eredményeit. Pedig az igény erre egyre inkább csak növekszik, főleg azok számára, akik tagjai a magyar „LMBT kisebbségnek”, azonban nem rendelkeznek elegendő információval szexuális orientációjuk és nemi identitásuk kialakulásával és értelmével kapcsolatban. Munkám elsősorban a szexuális orientáció kérdéskörét, azon belül főként a homoszexualitás jelenségét dolgozza fel.

Összefoglalóm bemutatja a legfontosabb, átfogó statisztikai elemzéseket arra vonatkozóan, hogy a népesség hány százaléka homoszexuális, majd a genetikai, társadalmi hatásokkal és ezek meghatározásának nehézségeivel ismerteti a hallgatóságot. Szó esik arról, hogy miért tűnik eredménytelennek a „homoszexualitás génjének” meghatározása, honnan örökölhettük a homoszexualitásért felelős géneket, valamint arról az új elméletről, amely eddig a legsikeresebben magyarázza a homoszexualitás öröklődését és szerepét. Továbbá, a teljesség igénye nélkül, néhány példát sorakoztatok fel a homoszexuális és heteroszexuális agy különbségére és hasonlóságára, a homoszexualitás és az evolúció lehetséges kapcsolataira és az állatvilágban való előfordulására.

Schütz Oszkár (SZTE Móra Ferenc Szakkollégium)

### **Az ősi DNS**

Az ősi DNS (ancient DNA, aDNA) kutatás egyre nagyobb hangsúlyt kap napjainkban, ahogy az újabb DNS kivonó és feldolgozó procedúrák egyre tisztább minták előállítását teszik lehetővé. A fajok eredetének feltárására irányuló, valamint a régmúltban végbe ment populáció mozgásokat vizsgáló kutatások igen sokat merítenek az aDNS elemzések eredményeiből, továbbá a régészeti vizsgálatok kiegészítő munkájaként is egyre nagyobb hangsúlyt kap eme kutatási terület. Előadásomat - egy rövid történeti áttekintő után - az aDNS szekvenálást lehetővé tevő PCR technika bemutatásával kezdeném. A továbbiakban az ősi DNS kutatások lehetőségeit, valamint a mitokondriális DNS elemzésen alapuló haplotipizálás technikáját ismertetném. Az előadás zárásaként az egyetemen folytatott kutatócsoport munkáját mutatnám be röviden, melynek magam is tagja vagyok.