

Kozma Klaudia

Irodalmi érdekességek, avagy Csokonai, Petőfi, Arany emberközelségből

Ez a kutatómunka Csokonai Vitéz Mihály, Petőfi Sándor és Arany János személyének bemutatására törekszik a tankönyvi anyagtól eltérő megközelítésben, illetve olyan érdekességek megosztására velük kapcsolatban, amik talán nem annyira közismertek.

Az előadásomat Hansági Ágnes Klasszikus magyar irodalom órái inspirálták, az ott elhangzott, számomra új és izgalmas tényeket, megállapításokat szeretném megosztani a konferencia alkalmával. Nem célom újfent elárulni, hogy hol született Petőfi Sándor, inkább arra fogok fókuszálni, hogy valójában hogyan is barátkozott össze Jókai Mórral. Olyan dolgokat igyekszem összeválogatni a három felsorolt költőről, amik újként hatnak és ami a legfontosabb, emberközelsébe hozza őket.

A kiselőadás részei a következőképpen épülnek fel: először Csokonai üzleti vállalkozása, tragédiája, majd Petőfi Sándor barátságkötése Jókai Mórral, üzleti érzelme, megkövetelt stílusa, már ki nem bontakozó új műfaja, végül Arany János irodalomtanításban látott nehézségei, konfliktusai a szerkesztőségekben, fordításainak hatásai, műértelmezései.

A prezentáció nem titkolt célja az érdeklődés felkeltése, valamint egy kisebb elismerés a témában. Remélem a prezentációt hallgatók úgy fognak távozni, hogy más szögből láthatták ezt a három személyt és kissé közelebb kerültek hozzájuk a személyiségük, mint a tankönyv lapjairól.

Kökény Zoltán Tamás

Kullancsok korrelációs mikrobiális hálózatainak modellezése és elemzése

A kutatás célja egy olyan keretrendszer fejlesztése volt Pythonban, aminek segítségével kullancsok metagenomikai adatain alapuló mikrobiális hálózatokat lehet modellezni és elemezni. Azonban a metagenomikai adatok "kompozíciós" természete miatt a hagyományos statisztikai módszerek torz eredményekhez vezetnek. Ennek korrigálásához egy kevésbé ismert algoritmust, a SparCC-t kellett alkalmaznunk. Azonban ezen algoritmus által kapott korrelációs hálózat elemzését nehezítette, hogy az általános hálózati metrikák nagy része nem működik, vagy nem értelmezhető.

Előadásom során bemutatom a kompozíciós adatok és a mikrobiális hálózatok tulajdonságait, továbbá bemutatom a hálózatok készítéséhez használt SparCC algoritmust, majd ismertetem az ilyen hálózatok elemzéséhez használt metrikák egy részét és azok interpretációját konkrét eredmények alapján.